

(12) DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIÉE EN VERTU DU TRAITÉ DE COOPÉRATION  
EN MATIÈRE DE BREVETS (PCT)

VERSION CORRIGÉE

(19) Organisation Mondiale de la Propriété  
Intellectuelle  
Bureau international(43) Date de la publication internationale  
13 novembre 2003 (13.11.2003)

PCT

(10) Numéro de publication internationale  
WO 2003/093461 A3(51) Classification internationale des brevets<sup>7</sup> : C12N 7/00,  
C07K 14/01, 16/08, C12Q 1/68, G01N 33/53, C12N  
15/63, 15/70, 1/21, C12P 21/02VICO, Virginie [FR/FR]; 2, rue Gaston Crémieux, F-91057  
Evry (FR).(21) Numéro de la demande internationale :  
PCT/FR2003/001328(74) Mandataire : SANTARELLI; 14, avenue de la Grande-  
Armée, Boîte postale 237, F-75822 Paris Cedex 17 (FR).

(22) Date de dépôt international : 28 avril 2003 (28.04.2003)

(81) États désignés (*national*) : AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ,  
BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ,  
DE, DK, DM, DZ, EC, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM,  
HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK,  
LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX,  
MZ, NI, NO, NZ, OM, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE,  
SG, SK, SL, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ,  
VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.

(25) Langue de dépôt : français

(26) Langue de publication : français

(30) Données relatives à la priorité :  
02/05424 30 avril 2002 (30.04.2002) FR(71) Déposants (*pour tous les États désignés sauf US*) : INSTI-  
TUT PASTEUR [FR/FR]; 25-28, rue du Docteur-Roux,  
F-75015 Paris (FR). CENTRE NATIONAL DE LA  
RECHERCHE SCIENTIFIQUE (CNRS) [FR/FR]; 3,  
rue Michel Ange, F-75016 Paris (FR). GENOSCOPE  
-CENTRE NATIONAL DE SEQUENCAGE [FR/FR];  
2, rue Gaston Crémieux, F-91000 Evry (FR).(84) États désignés (*régional*) : brevet ARIPO (GH, GM, KE,  
LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), brevet  
eurasien (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), brevet  
européen (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI,  
FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC, NL, PT, RO, SE, SI, SK,  
TR), brevet OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ,  
GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

(72) Inventeurs; et

(75) Inventeurs/Déposants (*pour US seulement*) : MAR-  
LIERE, Philippe [FR/FR]; 2, allée Saint-Martin, F-91450  
Etiolles (FR). KAMINSKI, Pierre-Alexandre [FR/FR]; 4,  
rue Bailly, F-75003 Paris (FR). GALISSON, Frédérique  
[FR/CH]; 35, chemin de Bonne Espérance, CH-1006  
Lausanne (CH). BOUZON, Madeleine [FR/FR]; 4,  
rue des Capucins, F-92190 Meudon (FR). POCHET,  
Sylvie [FR/FR]; 201, rue Lecourbe, F-75015 Paris (FR).  
WEISSENBACH, Jean [FR/FR]; 163, rue de Vaugirard,  
F-75015 Paris (FR). SAURIN, William [FR/FR]; 31, rue  
de la Procession, F-75015 Paris (FR). ROBERT, Cath-  
erine [FR/FR]; 2, rue Gaston Crémieux, F-91057 Evry (FR).

Publiée :

— avec rapport de recherche internationale

(88) Date de publication du rapport de recherche  
internationale: 1 avril 2004(48) Date de publication de la présente version corrigée:  
24 juin 2004(15) Renseignements relatifs à la correction:  
voir la Gazette du PCT n° 26/2004 du 24 juin 2004, Sec-  
tion II

[Suite sur la page suivante]

(54) Title: GENOMIC LIBRARY OF CYANOPHAGE S-2L AND FUNCTIONAL ANALYSIS

(54) Titre : BANQUE GENOMIQUE DU CYANOPHAGE S-2L ET ANALYSE FONCTIONNELLE

(57) Abstract: The invention relates to the genome sequence and the nucleotide sequences coding for polypeptides of cyanophage S-2L. According to the invention, the polypeptides include, but are not limited to, polypeptides involved in the synthesis, transcription and replication of purine bases. In particular, determining the genome of cyanophage S-2L is useful for supplying genes which, expressed in recombinant bacteria, enable the synthesis of DNA monomers incorporating base D (2,6 diaminopurine) instead of base A (adenine), thereby producing chemically-remodelled nucleic acids in the bacteria.

(57) Abrégé : L présente invention a pour objet la séquence génomique et des séquences nucléotidiques codant pour des polypeptides du cyanophage S-2L. Les polypeptides décrits dans la présente invention sont, de façon non limitative, des polypeptides impliqués dans la synthèse, la transcription et la répllication des bases puriques. En particulier, la détermination du génome du cyanophage S-2L est un outil utile pour la fourniture de gènes, qui exprimés dans des bactéries recombinantes, permettent la synthèse de monomères d'ADN incorporant la base D (2,6 diaminopurine) au lieu de la base A (adénine) et ainsi de produire des acides nucléiques chimiquement remodelés chez les bactéries.



*En ce qui concerne les codes à deux lettres et autres abréviations, se référer aux "Notes explicatives relatives aux codes et abréviations" figurant au début de chaque numéro ordinaire de la Gazette du PCT.*